



Anforderung für molekularpathologische Diagnostik

Anfordernder Arzt:	Patient :	
	Geburtsdatum:	
Anfordernde Abteilung:	Material:	Datum:
	Materialnummer:	

Allgemein/Indikationsübergreifend

FISH-Analysen

- Her2neu/c17-Amplifikation
- MDM2/c12-Amplifikation
- 1p19q-LOH
- bcr/abl-Fusion
- MET-Amplifikation
- Alk-Translokation
- ROS1-Translokation
- FUS -Translokation
- EWSR1-Translokation
- RET-Translokation
- USP6-Translokation
- SS18/Syt-Translokation
- MYC-Translokation
- Bcl2/IgH-Translokation
- X/Y (Geschlechtsbestimmung)

Panelsequenzierung

nNGM (CDHS-13904Z)

Gene: AKT1, ALK, BRAF, CTNNB1, EGFR (ERBB1), ERBB2 (HER-2-NEU), ERBB3, ESR1 (ER-alpha), FOXL2, GNA11, GNAQ, IDH1, IDH2, KIT (CD117), KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA (p110-alpha), RAF1, RET, TP53 (p53)

AIT (DHS-101Z)

Gene: AKT1, ALK, BRAF, CTNNB1, EGFR (ERBB1), ERBB2 (HER-2-NEU), ERBB3, ESR1 (ER-alpha), FOXL2, GNA11, GNAQ, IDH1, IDH2, KIT (CD117), KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA (p110-alpha), RAF1, RET, TP53 (p53)

BRCA (DHS-102Z)

Gene: BRCA1, BRCA2

Bemerkungen

Anforderung nach Entität

Lungenkarzinom

- Mutationsanalyse mit nNGM Panelsequenzierung für: EGFR, BRAF, MET, ALK
- T790M-Mutationsanalyse (Liquid Biopsie)
- ALK-Translokation
- ROS1-Translokation
- RET-Translokation
- PD-L1 (IHC)

Mamma-, Ovarial- und Peritonealkarzinom

- Her2-Amplifikation (FISH)
- Mutationsanalyse mit BRCA Panelsequenzierung: für: BRCA1, BRCA2

Malignes Melanom

- Fast-Track nur für BRAF Exon 15
- Mutationsanalyse mit AIT Panelsequenzierung für: BRAF, NRAS, cKIT

Lymphomdiagnostik

- B-Zell-Klonalitätsanalyse
- T-Zell-Klonalitätsanalyse
- IGH/BCL2 t14;18-Translokation

Sarkome und Weichteiltumore

- Mutationsanalyse mit Pyro für GNAS

Kolorektales Karzinom

- Mutationsanalyse mit nNGM Panelsequenzierung für: RAS, BRAF
- opt. AIT Panelsequenzierung

Schilddrüsenkarzinome

- Mutationsanalyse mit AIT Panelsequenzierung für: NRAS, RET

Gastrointestinale Tumoren

- Mutationsanalyse mit AIT Panelsequenzierung: für: cKIT, PDGFRA
- Her2-Amplifikation (FISH) bei Magenkarzinom

Tumore des ZNS/Gliome

- Mutationsanalyse mit AIT Panelsequenzierung: für: IDH1, IDH2
- MGMT-Methylierung
- 1p19q-LOH (FISH)

Erregerdiagnostik

- Herpes Viren (CVM, HSV, HHV6, EBV, VZV)
- HPV (Nachweis & Typisierung)
- Fungi (Nachweis & Typisierung)
- Bb (Borrelia burgdorferii)
- Mb. Whipple
- TB (Mycobakterium tuberculosis)
- MOTT (Mycobacteria other than TB)

Universitätsklinikum Carl Gustav Carus



Institut für Pathologie

Zertifiziert nach DIN EN ISO 9001:2015

Direktor: Prof. Dr. med. G. Baretton

Molekularpathologisches Labor: 0351/458-13052

Barcode

